

fam	ind	chr	n1	marker1	dnum1	band1	n2	marker2	dnum2	band2	midpt	length	lod	nhomo	ntyped
102	3	2	21	AFM225zg5	D2S162	p25.2	67	Mfd292	D2S220	p23.1	31.3	22.6	23.50	41	42
102	3	3	243	ATA22G02	D3S2419	q11.2	291	AFM263yh5	D3S1575	q21.1	123.8	16.1	21.57	40	40
102	3	4	334	AFM288vb9	D4S1586	q28.3	377	ATA27E06	D4S2398	q28.3	155.9	17.8	22.20	35	35
102	3	9	57	AFM186xc7	D9S259	p21.3	122	AFM224zh10	D9S175	q21.11	58.8	23.1	36.19	48	48
102	3	9	278	AFMa131yg9	D9S290	q34.12	292	AFMb036xf5	D9S1830	q34.2	143.0	4.4	6.22	11	11
102	3	10	73	AFM162xf6	D10S203	p13	106	AFMa106vf5	D10S1639	p12.33	50.2	8.0	15.95	28	28
102	3	10	291	AFM289zh5	D10S583	q23.2	356	AFMa272zd1	D10S1681	q24.33	124.3	18.0	34.80	56	56
102	3	11	342	AFMa357wa5	D11S4129	q23.3	382	GATA72A01	D11S2367	q25	127.1	23.0	20.98	35	35
102	3	13	167	UT6073	D13S628	q31.1	182	ATA32H12	D13S886	q31.3	68.1	4.1	7.42	14	14
102	3	20	67	AFM102xa7	D20S104	p11.22	147	AFMc013yh9	D20S899	q13.12	48.1	20.8	42.07	69	69
102	4	2	624	AFM275yf5	D2S336	q37.3	642	AFM312ye1	D2S2338	q37.3	257.3	23.6	11.31	19	19
102	4	3	0	3PTEL01	D3S4557	p26.3	9	AFMb296zf5	D3S3630	p26.3	5.4	10.7	7.24	9	9
102	4	3	243	ATA22G02	D3S2419	q11.2	323	AFMb025we5	D3S3607	q21.3	129.9	28.2	39.42	70	70
102	4	4	0	4PTEL04	D4S3360	p16.3	10	AFM163yc1	D4S2925	p16.2	4.1	8.2	5.79	9	9
102	4	4	334	AFM288vb9	D4S1586	q28.3	377	ATA27E06	D4S2398	q28.3	155.9	17.8	22.20	35	35
102	4	21	29	AFM344wf5	D21S1914	q22.11	74	ATA27F01	D21S1440	q22.3	28.1	17.4	21.75	37	37
102	5	2	17	UT7580	D2S1275	p25.2	62	AFMa108yf1	D2S2150	p23.2	29.2	22.6	22.59	34	34
102	5	4	280	UT1337	D4S1522	q26	303	AFM210xe3	D4S2959	q28.1	127.6	8.9	7.30	12	12
102	5	4	325	AFM304wb9	D4S1604	q28.3	376	AFMa071wg5	D4S3046	q28.3	154.2	16.5	16.01	31	31
102	5	7	87	GATA13G11	D7S817	p15.3	102	AFM248ve5	D7S528	p15.2	54.0	7.5	4.92	9	9
102	5	11	326	UT545	D11S965	q23.1	381	AFMb286xf9	D11S4150	q25	120.8	24.4	23.83	39	39
102	5	12	196	Mfd84	D12S43	q21.2	226	AFMb321wc5	D12S1670	q21.33	86.7	12.4	10.95	17	17
102	5	16	232	AFM296tb1	D16S505	q24.2	259	AFMa134xb5	D16S3023	q24.3	120.8	23.6	13.37	18	18
102	5	18	59	UT652	D18S384	q12.3	154	AFM248yb9	D18S68	q22.1	77.5	38.0	38.06	61	61
102	5	20	70	GATA142C02	Unknown	p11.22	147	AFMc013yh9	D20S899	q13.12	48.6	19.8	29.41	50	50
102	5	22	0	ATA2G02	Unknown	q11.23	26	AFMb320ve9	D22S1167	q13.1	12.4	24.7	10.63	16	16
102	6	2	624	AFM275yf5	D2S336	q37.3	642	AFM312ye1	D2S2338	q37.3	257.3	23.6	11.31	19	19
102	6	4	0	4PTEL04	D4S3360	p16.3	10	AFM163yc1	D4S2925	p16.2	4.1	8.2	6.25	10	10
102	6	4	325	AFM304wb9	D4S1604	q28.3	389	AFM295xd5	D4S1596	q31.1	157.2	22.5	30.66	55	55
102	6	9	45	AFM115yb4	D9S162	p22.2	93	AFMa044ta5	D9S1874	p11.1	47.9	27.0	27.29	37	37
102	6	9	278	AFMa131yg9	D9S290	q34.12	289	AFMc016xh9	D9S1863	q34.13	142.5	3.3	5.17	9	9
102	6	12	196	Mfd84	D12S43	q21.2	229	AFM337zh1	D12S1699	q21.33	87.5	14.0	18.53	29	29
102	7	4	334	AFM288vb9	D4S1586	q28.3	380	Mfd223	D4S1636	q31.1	157.0	19.8	23.18	37	37
102	7	16	4	ATA67B07	Unknown	p13.3	33	AFMb348wc9	D16S3108	p13.3	10.4	8.7	17.43	27	27
102	7	16	123	AFMa132we9	D16S517	q13	259	AFMa134xb5	D16S3023	q24.3	95.5	74.1	76.69	118	118
102	7	20	67	AFM102xa7	D20S104	p11.22	147	AFMc013yh9	D20S899	q13.12	48.1	20.8	41.54	67	67
102	8	2	27	GAAT1A5	D2S423	p25.1	67	Mfd292	D2S220	p23.1	32.4	20.6	19.40	34	35
102	8	3	1	3PTEL25	D3S4559	p26.3	9	AFMb296zf5	D3S3630	p26.3	6.0	9.4	6.74	8	8
102	8	4	243	AFM218xb8	D4S421	q22.1	257	GATA62A12	D4S2623	q25	110.5	7.2	8.12	14	14
102	8	4	334	AFM288vb9	D4S1586	q28.3	377	ATA27E06	D4S2398	q28.3	155.9	17.8	21.56	34	34
102	8	6	255	Mfd284	D6S361	q16.1	275	AFM119yb6	D6S1717	q21	104.7	5.1	9.89	19	19
102	8	10	285	UT923	D10S1143	q23.1	356	AFMa272zd1	D10S1681	q24.33	122.3	22.0	38.16	62	62
102	8	12	196	Mfd84	D12S43	q21.2	229	AFM337zh1	D12S1699	q21.33	87.5	14.0	18.53	29	29
102	8	13	106	AFM263yd1	D13S176	q14.3	182	ATA32H12	D13S886	q31.3	59.2	21.9	29.00	65	68
102	8	15	48	UT477	D15S182	q21.1	93	AFMa121zb9	D15S964	q21.2	46.3	12.1	30.86	41	41
102	8	18	134	ATA23G05	D18S858	q21.2	154	AFM248yb9	D18S68	q22.1	88.4	16.1	10.36	16	16
102	8	20	67	AFM102xa7	D20S104	p11.22	129	GATA42A03	D20S478	q13.12	45.9	16.4	35.19	54	54
102	8	21	29	AFM344wf5	D21S1914	q22.11	109	GATA70B08	D21S1446	q22.3	38.6	38.4	37.63	60	60
102	9	2	17	UT7580	D2S1275	p25.2	67	Mfd292	D2S220	p23.1	30.3	24.8	25.92	44	45
102	9	3	243	ATA22G02	D3S2419	q11.2	353	AFM182yc5	D3S1549	q22.1	133.6	35.7	57.35	95	95
102	9	4	206	GATA68C08	Unknown	q13.3	257	GATA62A12	D4S2623	q25	103.8	20.6	33.88	48	48
102	9	4	334	AFM288vb9	D4S1586	q28.3	377	ATA27E06	D4S2398	q28.3	155.9	17.8	21.56	34	34

fam	ind	chr	n1	marker1	dnum1	band1	n2	marker2	dnum2	band2	midpt	length	lod	nhomo	ntyped
102	9	6	255	Mfd284	D6S361	q16.1	272	Mfd97	D6S249	q16.3	103.4	2.5	9.48	18	18
102	9	9	59	AFM164xg7	D9S169	p21.3	122	AFM224zh10	D9S175	q21.11	59.8	21.1	35.45	46	46
102	9	9	278	AFMa131yg9	D9S290	q34.12	297	AFMb001ve9	D9S1818	q34.3	145.9	10.1	11.53	17	17
102	9	10	285	UT923	D10S1143	q23.1	356	AFMa272zd1	D10S1681	q24.33	122.3	22.0	38.16	62	62
102	9	11	326	UT545	D11S965	q23.1	382	GATA72A01	D11S2367	q25	123.6	30.0	29.78	48	48
102	9	12	85	AFM163xb12	D12S1606	p12.3	167	AFM184yf2	D12S305	q14.2	58.7	31.8	41.26	71	71
102	9	16	238	GATA86C08	Unknown	q24.3	258	AFM342xd9	D16S3121	q24.3	126.6	12.0	11.79	16	16
102	9	22	0	ATA2G02	Unknown	q11.23	26	AFMb320ve9	D22S1167	q13.1	12.4	24.7	12.91	19	19
102	10	4	0	4PTEL04	D4S3360	p16.3	10	AFM163yc1	D4S2925	p16.2	4.1	8.2	6.25	10	10
102	10	4	325	AFM304wb9	D4S1604	q28.3	413	AFMa051wa9	D4S3030	q31.23	161.7	31.4	44.21	76	76
102	10	9	45	AFM115yb4	D9S162	p22.2	83	AFMb324xg1	D9S1845	p13.3	46.6	24.4	21.69	32	32
102	10	10	285	UT923	D10S1143	q23.1	356	AFMa272zd1	D10S1681	q24.33	122.3	22.0	37.54	61	61
102	10	11	326	UT545	D11S965	q23.1	351	AFMa225zf9	D11S4107	q23.3	113.8	10.5	13.86	21	21
102	10	13	106	AFM263yd1	D13S176	q14.3	181	AFM218yf10	D13S265	q31.1	58.5	20.5	26.27	61	64
102	10	16	123	AFMa132we9	D16S517	q13	218	AFMa245yf5	D16S3049	q23.2	77.8	38.6	52.29	85	85
102	10	17	149	UT8	D17S760	q12	262	AFMb021yf9	D17S1831	q24.3	79.8	35.6	52.73	87	87
102	10	20	95	Mfd134A	D20S65	p11.1	147	AFMc013yh9	D20S899	q13.12	53.7	9.6	26.81	45	45
102	11	3	0	3PTEL01	D3S4557	p26.3	9	AFMb296zf5	D3S3630	p26.3	5.4	10.7	6.39	7	7
102	11	4	351	AFM225zb2	D4S1556	q28.3	374	AFM036xg11	D4S393	q28.3	160.0	3.9	13.14	21	21
102	11	10	285	UT923	D10S1143	q23.1	314	AFM350wa5	D10S603	q23.33	117.5	12.4	13.44	23	23
102	11	12	85	AFM163xb12	D12S1606	p12.3	151	GGAT2G06	D12S398	q13.12	55.5	25.4	36.04	57	57
102	11	12	202	AFMa082zb5	D12S1722	q21.2	229	AFM337zh1	D12S1699	q21.33	88.3	12.4	14.93	24	24
102	11	16	0	16PTEL03	D16S3399	p13.3	33	AFMb348wc9	D16S3108	p13.3	7.4	14.8	18.75	28	28
102	11	17	204	UT5608	D17S1160	q21.32	254	AFMb008yg1	D17S1826	q24.1	88.2	15.6	21.64	40	40
102	11	21	29	AFM344wf5	D21S1914	q22.11	109	GATA70B08	D21S1446	q22.3	38.6	38.4	36.91	60	60
102	11	22	0	ATA2G02	Unknown	q11.23	26	AFMb320ve9	D22S1167	q13.1	12.4	24.7	13.61	20	20
102	12	3	322	AFMa240xe5	D3S3584	q21.3	353	AFM182yc5	D3S1549	q22.1	147.7	7.6	17.37	25	25
102	12	4	325	AFM304wb9	D4S1604	q28.3	413	AFMa051wa9	D4S3030	q31.23	161.7	31.4	44.21	76	76
102	12	11	326	UT545	D11S965	q23.1	382	GATA72A01	D11S2367	q25	123.6	30.0	30.15	49	49
102	12	12	126	AFM122xf6	D12S85	q12	167	AFM184yf2	D12S305	q14.2	68.0	13.2	20.44	38	38
102	12	22	0	ATA2G02	Unknown	q11.23	26	AFMb320ve9	D22S1167	q13.1	12.4	24.7	12.66	19	19
102	13	3	2	UT1360	D3S1539	p26.3	9	AFMb296zf5	D3S3630	p26.3	8.1	5.2	6.39	7	7
102	13	4	0	4PTEL04	D4S3360	p16.3	10	AFM163yc1	D4S2925	p16.2	4.1	8.2	5.79	9	9
102	13	4	181	GC	Unknown	q12	243	AFM218xh8	D4S421	q22.1	93.3	27.2	38.93	57	57
102	13	4	334	AFM288vb9	D4S1586	q28.3	377	ATA27E06	D4S2398	q28.3	155.9	17.8	22.20	35	35
102	13	9	278	AFMa131yg9	D9S290	q34.12	297	AFMb001ve9	D9S1818	q34.3	145.9	10.1	10.84	16	16
102	13	13	151	UT2347	D13S921	q31.1	182	ATA32H12	D13S886	q31.3	66.5	7.3	11.99	26	27
102	13	16	4	ATA67B07	Unknown	p13.3	33	AFMb348wc9	D16S3108	p13.3	10.4	8.7	17.43	27	27
102	13	16	236	UT532	D16S534	q24.3	259	AFMa134xb5	D16S3023	q24.3	121.9	21.5	13.55	18	18
102	13	18	61	MS156	D18S36	q12.3	144	AFM212xg5	D18S64	q21.2	71.6	26.4	47.54	77	77
102	13	20	67	AFM102xa7	D20S104	p11.22	147	AFMc013yh9	D20S899	q13.12	48.1	20.8	43.28	70	70
102	13	22	0	ATA2G02	Unknown	q11.23	22	AFM343ye9	D22S429	q12.3	11.0	22.0	13.16	19	19
102	14	2	624	AFM275yf5	D2S336	q37.3	642	AFM312ye1	D2S2338	q37.3	257.3	23.6	11.31	19	19
102	14	3	321	AFM290zf1	D3S1589	q21.3	353	AFM182yc5	D3S1549	q22.1	146.6	9.7	17.82	26	26
102	14	4	351	AFM225zb2	D4S1556	q28.3	413	AFMa051wa9	D4S3030	q31.23	167.7	19.3	34.96	55	55
102	14	12	85	AFM163xb12	D12S1606	p12.3	167	AFM184yf2	D12S305	q14.2	58.7	31.8	41.36	71	71
102	14	13	106	AFM263yd1	D13S176	q14.3	169	AFMc021xg5	D13S1286	q31.1	57.2	17.8	22.21	53	56
102	14	16	24	AFMa301wg9	D16S3058	p13.3	33	AFMb348wc9	D16S3108	p13.3	14.0	1.7	6.94	10	10
102	14	22	0	ATA2G02	Unknown	q11.23	26	AFMb320ve9	D22S1167	q13.1	12.4	24.7	14.13	21	21
102	15	2	17	UT7580	D2S1275	p25.2	67	Mfd292	D2S220	p23.1	30.3	24.8	25.92	44	45
102	15	2	624	AFM275yf5	D2S336	q37.3	642	AFM312ye1	D2S2338	q37.3	257.3	23.6	11.31	19	19
102	15	3	283	AFM094vc5	D3S3526	q21.1	353	AFM182yc5	D3S1549	q22.1	140.3	22.4	40.07	63	63
102	15	4	181	GC	Unknown	q12	256	AFM248zg9	D4S1564	q25	96.2	32.9	46.14	69	69

fam	ind	chr	n1	marker1	dnum1	band1	n2	marker2	dnum2	band2	midpt	length	lod	nhomo	ntyped
102	15	4	280	UT1337	D4S1522	q26	306	GATA51D07	D4S2420	q28.1	127.6	9.0	11.18	18	18
102	15	4	368	AFMa054td5	D4S3033	q28.3	413	AFMa051wa9	D4S3030	q31.23	169.2	16.3	23.94	40	40
102	15	6	253	GATA74B03	D6S1274	q16.3	272	Mfd97	D6S249	q16.3	103.1	3.2	10.27	19	19
102	15	9	278	AFMa131yg9	D9S290	q34.12	297	AFMb001ve9	D9S1818	q34.3	145.9	10.1	11.53	17	17
102	15	12	220	Mfd155A	D12S64	q21.32	229	AFM337zh1	D12S1699	q21.33	92.0	5.1	4.93	8	8
102	15	13	155	AFMb342yfl	D13S1277	q31.1	182	ATA32H12	D13S886	q31.3	67.0	6.2	10.51	24	25
102	15	15	52	AFMc029xc1	D15S1028	q21.1	87	AFM234ye11	D15S198	q21.2	48.4	5.6	21.62	32	32
102	15	16	132	ATA55A11	D16S3396	q13	198	AFMa066xd5	D16S3139	q22.1	76.0	24.4	37.55	60	60
102	16	4	280	UT1337	D4S1522	q26	306	GATA51D07	D4S2420	q28.1	127.6	9.0	10.38	17	17
102	16	13	148	AFMa052vd9	D13S1306	q22.2	182	ATA32H12	D13S886	q31.3	65.0	10.3	14.19	29	30
102	16	16	216	AFMa132xg9	D16S518	q23.1	259	AFMa134xb5	D16S3023	q24.3	113.8	37.5	26.94	37	37
102	16	20	67	AFM102xa7	D20S104	p11.22	147	AFMc013yh9	D20S899	q13.12	48.1	20.8	42.07	69	69
884	1	4	342	AFMa045wg9	D4S3021	q28.3	391	AFM295ye5	D4S1597	q31.1	162.0	14.8	26.58	49	50
884	1	6	133	GGAT3H10	D6S1017	p21.1	170	AFMb283we9	D6S1623	p11.1	70.5	14.5	21.74	36	36
884	1	6	245	AFMb296xh1	D6S1631	q16.1	293	AFM183yh4	D6S1580	q22.1	105.6	13.2	27.85	49	49
884	1	7	335	AFMb292yb5	D7S2486	q31.33	372	Mfd327	D7S800	q32.3	134.2	12.8	20.18	38	38
884	1	11	36	AFM323xc5	D11S1794	p15.3	51	AFMb036yh5	D11S4138	p15.2	20.7	1.6	5.46	15	16
884	1	12	327	AFM304wh5	D12S354	q24.21	364	Mfd353	D12S386	q24.33	135.5	23.4	17.08	36	38
884	1	19	218	AFMb005wh1	D19S605	q13.43	228	AFMa351xe5	D19S890	q13.43	100.1	9.8	5.37	11	11
884	1	21	88	AFMb024yh5	D21S1891	q22.3	108	AFMb298xd5	D21S1897	q22.3	46.7	15.0	12.78	20	20
884	2	3	472	AFM242yc9	D3S1571	q28	480	AFM349xc5	D3S1617	q28	196.2	4.9	5.53	9	9
884	2	4	133	GATA144E02	Unknown	p11	153	Mfd74A	D4S189	q12	67.0	11.1	12.26	21	21
884	2	5	158	AFM095zb7	D5S398	q11.2	235	AFM116xe1	D5S401	q14.1	82.9	29.8	46.21	77	77
884	2	6	190	AFM115xh10	D6S1711	q11.1	302	AFM162xc3	D6S278	q22.1	98.6	35.3	48.12	109	113
884	2	8	252	AFM200wb6	D8S506	q22.3	281	UT1208	D8S385	q23.3	114.2	8.0	12.35	28	30
884	2	9	245	AFMa239xc5	D9S1802	q33.1	262	UT1231	D9S250	q33.3	128.9	6.5	9.53	18	18
884	2	12	156	249vf9	D12S103	q13.13	199	AFMb352yf5	D12S1680	q21.2	74.9	11.3	21.82	43	43
884	2	16	156	AFM193xh10	D16S494	q21	182	AFMb347xc1	D16S3107	q22.1	81.6	8.8	17.23	26	26
884	2	18	106	AFM191vc7	D18S450	q21.1	192	GATA51E05	Unknown	q22.3	89.1	40.3	49.79	84	84
884	2	22	64	AFMb001vh5	D22S1156	q13.2	84	AFMa102wg1	D22S1179	q13.2	46.3	3.9	15.81	21	21
884	3	1	629	ATA29C07	D1S3462	q42.2	644	UT5170	D1S517	q43	255.1	15.7	7.58	14	14
884	3	4	270	UT5657	D4S2297	q25	292	AFMb320zh5	D4S2975	q27	121.9	9.7	11.81	23	23
884	3	6	23	AFM203xe11	D6S410	p25.2	54	AFMa050zc1	D6S1688	p22.2	24.8	18.8	12.07	30	31
884	3	6	189	AFMb291zb5	D6S1628	q11.1	212	AFM168xh10	D6S280	q12	84.1	6.3	9.30	22	23
884	3	7	295	AFMa288ygl	D7S2453	q31.1	389	GATA104	Unknown	q35	135.5	39.1	49.61	92	93
884	3	8	75	UT800	D8S375	p12	113	AFM023xc1	D8S255	p11.21	62.5	4.3	18.70	38	38
884	3	10	317	AFMa132yd9	D10S1266	q23.33	331	AFMa222zc5	D10S1671	q24.1	125.7	2.8	11.37	15	15
884	3	13	106	AFM263yd1	D13S176	q14.3	134	AFMa061xc1	D13S1318	q21.31	50.7	4.9	17.12	29	29
884	3	19	199	KLK	Unknown	q13.33	212	AFMc002yg9	D19S927	q13.41	84.8	9.9	7.32	14	14
884	4	1	173	AFMa203ye9	D1S2661	p32.2	195	AFM256yh5	D1S2770	p31.1	83.3	10.2	15.06	23	23
884	4	4	396	AFM345wh9	D4S1617	q31.1	420	AFM214xh10	D4S2967	q32.1	177.8	8.3	11.43	22	22
884	4	7	296	AFM199vb2	D7S501	q31.1	376	AFM168xc3	D7S495	q34	131.8	25.8	41.55	76	77
884	4	10	317	AFMa132yd9	D10S1266	q23.33	331	AFMa222zc5	D10S1671	q24.1	125.7	2.8	11.37	15	15
884	4	19	77	AFMb355yd1	D19S925	p11	142	RYR	Unknown	q13.2	55.8	14.6	33.12	64	65
884	5	3	17	AFMa303yb1	D3S3591	p26.2	30	AFM036yb8	D3S1259	p25.3	30.8	11.8	7.01	14	14
884	5	3	194	AFMb047xc1	D3S3614	p12.3	241	AFM023xgl	D3S1559	q11.2	108.7	14.2	21.18	43	44
884	5	7	296	AFM199vb2	D7S501	q31.1	356	AFMa051ze9	D7S2544	q32.1	126.7	15.7	33.25	58	58
884	5	19	194	UT2523	D19S550	q13.33	212	AFMc002yg9	D19S927	q13.41	83.9	11.7	6.75	18	19
884	5	22	84	AFMa102wg1	D22S1179	q13.2	99	AFMb337zh9	D22S1169	q13.31	54.4	12.4	8.39	16	16
884	6	1	626	GATA44E05	D1S1656	q42.2	646	UT418	D1S1149	q43	254.0	17.9	11.21	19	19
884	6	3	17	AFMa303yb1	D3S3591	p26.2	30	AFM036yb8	D3S1259	p25.3	30.8	11.8	6.64	13	13
884	6	4	296	GATA10A12	D4S2365	q28.1	317	AFMb297xa5	D4S2965	q28.3	136.1	12.3	10.41	21	21

fam	ind	chr	n1	marker1	dnum1	band1	n2	marker2	dnum2	band2	midpt	length	lod	nhomo	ntyped
884	6	6	17	AFM265zh9	D6S309	p25.2	25	AFM349xh5	D6S470	p25.1	16.1	4.2	5.02	9	9
884	6	6	190	AFM115xh10	D6S1711	q11.1	213	AFMa336zf9	D6S1596	q12	84.1	6.3	9.90	23	24
884	6	9	96	UT792	Unknown	p11.2	128	AFM144ye9	D9S1674	q21.33	70.2	13.0	9.58	28	30
884	6	19	77	AFMb355yd1	D19S925	p11	142	RYR	Unknown	q13.2	55.8	14.6	32.20	63	64
884	6	19	199	KLK	Unknown	q13.33	212	AFMc002yg9	D19S927	q13.41	84.8	9.9	6.92	13	13
884	6	21	29	AFM344wf5	D21S1914	q22.11	42	AFM147xb12	D21S260	q22.11	21.0	3.2	6.99	11	11
884	7	1	67	AFM113xc7	D1S458	p35.2	89	AFM240za9	D1S449	p35.1	54.7	4.0	12.03	21	21
884	7	1	173	AFMa203ye9	D1S2661	p32.2	187	AFMa052wc5	D1S2869	p31.2	82.5	8.5	8.84	14	14
884	7	1	626	GATA44E05	D1S1656	q42.2	646	UT418	D1S1149	q43	254.0	17.9	10.38	17	17
884	7	3	200	AFMb326xb5	D3S3653	p11.1	241	AFM023xg1	D3S1559	q11.2	111.5	8.6	18.65	38	39
884	7	5	445	AFM265vg5	D5S504	q35.2	459	AFM242xb10	D5S429	q35.3	177.2	3.8	6.17	15	15
884	7	7	376	AFM168xc3	D7S495	q34	388	GATA150C06	Unknown	q35	149.9	10.4	7.12	13	13
884	7	10	258	AFMa070xe9	D10S1786	q22.3	284	AFMb362yg5	D10S1739	q23.1	106.7	6.6	17.25	25	25
884	7	19	193	Mfd232	D19S246	q13.33	212	AFMc002yg9	D19S927	q13.41	83.9	11.7	9.92	16	16
884	7	21	29	AFM344wf5	D21S1914	q22.11	69	AFMa086yf9	D21S1920	q22.2	25.7	12.6	24.31	36	36
884	8	1	67	AFM113xc7	D1S458	p35.2	121	AFMb013we1	D1S2723	p34.1	59.1	12.8	29.92	52	52
884	8	1	173	AFMa203ye9	D1S2661	p32.2	195	AFM256yh5	D1S2770	p31.1	83.3	10.2	15.06	23	23
884	8	1	625	GATA65A05	D1S1670	q42.2	646	UT418	D1S1149	q43	254.0	17.9	11.21	19	19
884	8	3	17	AFMa303yb1	D3S3591	p26.2	30	AFM036yb8	D3S1259	p25.3	30.8	11.8	7.01	14	14
884	8	3	194	AFMb047xc1	D3S3614	p12.3	241	AFM023xg1	D3S1559	q11.2	108.7	14.2	19.93	41	42
884	8	4	158	GATA11F12	D4S1645	q12	195	AFM211yf6	D4S2963	q13.1	79.8	14.5	16.78	33	34
884	8	4	296	GATA10A12	D4S2365	q28.1	317	AFMb297xa5	D4S2965	q28.3	136.1	12.3	9.87	21	21
884	8	4	396	AFM345wh9	D4S1617	q31.1	420	AFM214xh10	D4S2967	q32.1	177.8	8.3	12.40	23	23
884	8	6	23	AFM203xe11	D6S410	p25.2	54	AFMa050zc1	D6S1688	p22.2	24.8	18.8	12.36	30	31
884	8	6	190	AFM115xh10	D6S1711	q11.1	213	AFMa336zf9	D6S1596	q12	84.1	6.3	9.30	21	22
884	8	7	87	GATA13G11	D7S817	p15.3	110	AFM077xc1	D7S2524	p15.2	55.1	9.6	12.56	20	20
884	8	7	296	AFM199vb2	D7S501	q31.1	388	GATA150C06	Unknown	q35	137.0	36.2	46.18	86	87
884	8	8	75	UT800	D8S375	p12	113	AFM023xc1	D8S255	p11.21	62.5	4.3	18.28	36	36
884	8	10	317	AFMa132yd9	D10S1266	q23.33	331	AFMa222zc5	D10S1671	q24.1	125.7	2.8	11.37	15	15
884	8	11	195	AFMa297wa9	D11S4119	q14.1	204	UT5088	D11S1909	q14.2	77.0	1.7	5.70	9	9
884	8	22	84	AFMa102wg1	D22S1179	q13.2	100	UT580	D22S526	q13.31	55.3	14.1	8.76	17	17
884	9	1	82	AFMb350zb1	D1S2787	p35.1	121	AFMb013we1	D1S2723	p34.1	61.0	9.0	22.47	40	40
884	9	3	194	AFMb047xc1	D3S3614	p12.3	241	AFM023xg1	D3S1559	q11.2	108.7	14.2	22.29	45	46
884	9	6	17	AFM265zh9	D6S309	p25.2	25	AFM349xh5	D6S470	p25.1	16.1	4.2	5.02	9	9
884	9	7	91	AFMa230yc5	D7S2252	p15.3	102	AFM248ve5	D7S528	p15.2	54.0	7.5	5.37	11	11
884	9	7	296	AFM199vb2	D7S501	q31.1	368	AFM310yf9	D7S681	q32.3	128.7	19.5	39.90	71	71
884	9	10	258	AFMa070xe9	D10S1786	q22.3	284	AFMb362yg5	D10S1739	q23.1	106.7	6.6	17.86	27	27
884	9	19	77	AFMb355yd1	D19S925	p11	111	Mfd13A	D19S75	q13.11	52.1	7.2	13.44	33	34
884	9	19	205	D19S206	D19S206	q13.33	215	AFM186ye7	D19S880	q13.43	89.8	9.5	6.03	11	11
884	10	4	270	UT5657	D4S2297	q25	297	ATA80C09	Unknown	q28.1	123.5	12.9	14.25	27	27
884	10	6	189	AFMb291zb5	D6S1628	q11.1	212	AFM168xh10	D6S280	q12	84.1	6.3	9.65	23	24
884	10	7	370	AFM183xe11	D7S631	q32.3	386	AFMb017xc5	D7S2473	q35	144.8	12.8	11.05	17	17
884	10	10	258	AFMa070xe9	D10S1786	q22.3	284	AFMb362yg5	D10S1739	q23.1	106.7	6.6	17.86	27	27
884	10	13	145	AFM190xa1	D13S162	q22.1	158	AFM095wh3	D13S157	q31.1	61.5	5.9	8.87	13	13
884	10	21	29	AFM344wf5	D21S1914	q22.11	69	AFMa086yf9	D21S1920	q22.2	25.7	12.6	24.56	35	35
884	11	1	67	AFM113xc7	D1S458	p35.2	121	AFMb013we1	D1S2723	p34.1	59.1	12.8	32.48	55	55
884	11	1	173	AFMa203ye9	D1S2661	p32.2	195	AFM256yh5	D1S2770	p31.1	83.3	10.2	15.06	23	23
884	11	1	629	ATA29C07	D1S3462	q42.2	646	UT418	D1S1149	q43	255.1	15.7	8.32	15	15
884	11	4	396	AFM345wh9	D4S1617	q31.1	420	AFM214xh10	D4S2967	q32.1	177.8	8.3	12.96	24	24
884	11	6	23	AFM203xe11	D6S410	p25.2	54	AFMa050zc1	D6S1688	p22.2	24.8	18.8	12.70	31	32
884	11	6	188	AFM211xa11	D6S414	q11.1	212	AFM168xh10	D6S280	q12	83.9	6.8	9.92	24	25
884	11	6	319	UT526	D6S384	q22.2	336	GATA161A04	Unknown	q22.31	123.0	2.1	10.87	18	18
884	11	7	92	AFM311zc5	D7S683	p15.2	120	AFM350va9	D7S691	p12.3	58.2	11.0	14.18	28	29
884	11	7	296	AFM199vb2	D7S501	q31.1	389	GATA104	Unknown	q35	137.0	36.2	48.03	89	90

fam	ind	chr	n1	marker1	dnum1	band1	n2	marker2	dnum2	band2	midpt	length	lod	nhomo	ntyped
884	11	10	317	AFMa132yd9	D10S1266	q23.33	331	AFMa222zc5	D10S1671	q24.1	125.7	2.8	11.37	15	15
884	12	3	194	AFMb047xc1	D3S3614	p12.3	217	GATA121E06	Unknown	p11.1	106.2	9.3	11.29	22	22
884	12	4	395	UT513	D4S1502	q31.1	420	AFM214xh10	D4S2967	q32.1	176.7	10.4	11.96	22	22
884	12	6	189	AFMb291zb5	D6S1628	q11.1	212	AFM168xh10	D6S280	q12	84.1	6.3	11.77	22	22
884	12	9	5	AFM345ta9	D9S1871	p24.3	22	GATA175H06	Unknown	p24.1	13.2	9.7	9.04	17	17
884	12	11	195	AFMa297wa9	D11S4119	q14.1	203	AFMa115xf1	D11S4081	q14.2	77.0	1.7	5.00	7	7
884	12	19	194	UT2523	D19S550	q13.33	215	AFM186ye7	D19S880	q13.43	86.3	16.5	7.07	17	18
884	12	21	29	AFM344wf5	D21S1914	q22.11	69	AFMa086yf9	D21S1920	q22.2	25.7	12.6	23.79	32	32
884	13	4	158	GATA11F12	D4S1645	q12	195	AFM211yf6	D4S2963	q13.1	79.8	14.5	15.89	32	33
884	13	4	295	AFMa284wg5	D4S2938	q28.1	311	AFM273yg9	D4S1576	q28.2	132.5	6.2	5.85	14	14
884	13	4	395	UT513	D4S1502	q31.1	420	AFM214xh10	D4S2967	q32.1	176.7	10.4	12.54	24	24
884	13	6	17	AFM265zh9	D6S309	p25.2	25	AFM349xh5	D6S470	p25.1	16.1	4.2	5.02	9	9
884	13	6	189	AFMb291zb5	D6S1628	q11.1	212	AFM168xh10	D6S280	q12	84.1	6.3	11.96	22	22
884	13	7	321	GATA44F09	D7S2847	q31.31	389	GATA104	Unknown	q35	140.1	30.0	36.61	64	64
884	13	19	194	UT2523	D19S550	q13.33	215	AFM186ye7	D19S880	q13.43	86.3	16.5	5.87	18	19
884	13	20	44	AFMa086we9	D20S917	p12.3	82	AFMa337zh9	D20S860	p11.21	32.6	15.9	22.83	37	37
884	13	22	84	AFMa102wg1	D22S1179	q13.2	100	UT580	D22S526	q13.31	55.3	14.1	6.59	15	15
884	14	1	97	AFMa244yd5	D1S2676	p34.3	121	AFMb013we1	D1S2723	p34.1	63.6	3.8	14.48	25	25
884	14	1	180	AFMa050zc5	D1S2867	p31.2	195	AFM256yh5	D1S2770	p31.1	87.0	2.7	11.39	16	16
884	14	3	194	AFMb047xc1	D3S3614	p12.3	241	AFM023xg1	D3S1559	q11.2	108.7	14.2	21.49	44	45
884	14	4	159	GATA70D04	Unknown	q12	195	AFM211yf6	D4S2963	q13.1	80.9	12.4	17.76	34	35
884	14	4	270	UT5657	D4S2297	q25	297	ATA80C09	Unknown	q28.1	123.5	12.9	13.19	26	26
884	14	4	301	AFM256za9	D4S429	q28.1	317	AFMb297xa5	D4S2965	q28.3	136.6	11.2	7.55	16	16
884	14	5	445	AFM265vg5	D5S504	q35.2	459	AFM242xb10	D5S429	q35.3	177.2	3.8	5.75	14	14
884	14	6	190	AFM115xh10	D6S1711	q11.1	213	AFMa336zf9	D6S1596	q12	84.1	6.3	9.90	23	24
884	14	7	92	AFM311zc5	D7S683	p15.2	121	UT7583	D7S1526	p12.3	59.1	12.9	13.22	28	29
884	14	8	75	UT800	D8S375	p12	113	AFM023xc1	D8S255	p11.21	62.5	4.3	18.50	37	37
884	14	10	258	AFMa070xe9	D10S1786	q22.3	284	AFMb362yg5	D10S1739	q23.1	106.7	6.6	17.86	27	27
884	14	10	317	AFMa132yd9	D10S1266	q23.33	331	AFMa222zc5	D10S1671	q24.1	125.7	2.8	11.37	15	15
884	14	20	44	AFMa086we9	D20S917	p12.3	82	AFMa337zh9	D20S860	p11.21	32.6	15.9	22.83	37	37
884	15	5	48	AFMa140vd1	D5S1963	p15.2	83	AFMa238za9	D5S1986	p13.3	36.7	16.0	18.40	33	33
884	15	11	0	AFMa134wh5	D11S1363	p15.5	5	AFM218xe1	D11S1318	p15.5	2.4	4.8	5.41	6	6
884	15	18	0	AFM178xc3	D18S59	p11.32	9	ATA45G06	Unknown	p11.32	3.5	6.9	5.01	10	10
884	15	18	63	AFMb301ze5	D18S1124	q12.3	108	AFM070yd11	D18S455	q21.1	65.0	7.7	21.89	44	45
884	16	5	7	GATA145D10	D5S2849	p15.32	17	UT1993	D5S1390	p15.2	11.0	6.5	5.18	11	11
884	17	1	436	AFM063xg9	D1S196	q24.2	452	AFMb352xe9	D1S2790	q24.3	186.2	9.5	10.32	17	17
884	17	3	415	AFM164ye7	D3S3580	q25.31	422	ATA21H07	D3S2415	q25.32	174.1	1.6	5.01	8	8
884	17	6	134	UT2081	D6S400	p21.1	181	AFMa071td1	D6S1710	q11.1	71.9	17.2	28.60	45	45
884	17	8	167	AFM114xe7	D8S260	q12.1	187	AFM281wb1	D8S1795	q21.13	83.5	8.2	6.31	20	21
884	17	9	121	AFM331yh5	D9S284	q21.11	143	GATA171A04	Unknown	q22.1	76.1	11.6	10.92	20	20
884	17	9	164	AFMb014ye5	D9S1820	q22.31	184	AFM347zf5	D9S287	q22.32	99.5	7.8	9.61	20	20
884	17	11	37	AFM283wg1	D11S1334	p15.3	59	AFMb326xf9	D11S4160	p15.2	20.7	1.6	12.86	23	23
884	18	3	6	GATA22F08	D3S2426	p26.3	30	AFM036yb8	D3S1259	p25.3	22.0	29.3	15.02	25	25
884	18	5	14	AFM154xg3	D5S406	p15.31	65	GATA11G08	D5S813	p14.3	24.6	25.5	24.57	49	51
884	18	5	330	AFMa290we5	D5S1995	q31.1	364	Mfd43	D5S207	q31.3	142.7	9.5	18.64	30	30
884	18	6	26	ATA6B05	D6S1034	p24.3	54	AFMa050zc1	D6S1688	p22.2	28.7	11.0	14.83	29	29
884	18	10	0	10PTEL45	D10S2488	p15.3	34	UT7760	D10S1172	p14	11.1	22.3	13.93	32	33
884	18	11	195	AFMa297wa9	D11S4119	q14.1	204	UT5088	D11S1909	q14.2	77.0	1.7	6.10	10	10
884	18	12	164	AFMb019wb9	D12S1644	q14.1	185	AFM338tc5	D12S1700	q15	74.0	3.6	9.93	21	21
884	18	13	146	GATA30F02	Unknown	q22.1	155	AFMb342yf1	D13S1277	q31.1	61.5	4.8	5.49	10	10
884	18	16	221	AFM350vd1	D16S516	q24.1	232	AFM296tb1	D16S505	q24.2	104.7	8.6	7.22	12	12

fam	ind	chr	n1	marker1	dnum1	band1	n2	marker2	dnum2	band2	midpt	length	lod	nhomo	ntyped
1331	1	17	172	AFM234td2	D17S806	q21.1	181	AFMb010xa5	D17S1827	q21.1	66.9	0.0	5.15	10	10
1331	8	19	34	UT1740	D19S403	p13.2	42	GATA134B01	Unknown	p13.2	34.6	3.3	5.31	8	8
1331	12	6	146	AFMb316yd5	D6S1638	p21.1	173	AFM206xc11	D6S295	p11.1	75.4	5.8	16.51	27	27
1331	14	19	49	ATA37G08	Unknown	p13.13	57	Mfd236	D19S244	p13.13	42.3	0.0	5.66	8	8
1332	16	15	199	UT6886	D15S536	q26.3	207	AFMa140ye5	D15S966	q26.3	110.1	4.9	5.01	9	9
1347	1	18	150	AFM178xe3	D18S60	q22.1	161	GATA198A02	Unknown	q22.1	95.3	7.4	5.58	9	9
1347	11	1	385	UT864	D1S1156	q11	396	AFMa351wd1	D1S2714	q12	158.5	5.2	5.28	7	7
1347	13	2	118	AFMa298yg5	D2S2220	p16.3	123	AFM211zd10	D2S2272	p16.3	60.2	1.6	4.70	6	6
1362	4	11	278	AFMa226zh1	D11S4108	q22.3	286	AFMa126yf1	D11S1782	q22.3	99.0	0.0	5.27	9	9
1362	5	6	282	GATA164H01	Unknown	q21	288	AFM190yf10	D6S283	q21	109.2	0.0	4.86	7	7
1362	6	6	282	GATA164H01	Unknown	q21	288	AFM190yf10	D6S283	q21	109.2	0.0	4.86	7	7
1362	8	11	278	AFMa226zh1	D11S4108	q22.3	286	AFMa126yf1	D11S1782	q22.3	99.0	0.0	5.27	9	9
1362	10	6	282	GATA164H01	Unknown	q21	288	AFM190yf10	D6S283	q21	109.2	0.0	4.86	7	7
1362	10	11	278	AFMa226zh1	D11S4108	q22.3	286	AFMa126yf1	D11S1782	q22.3	99.0	0.0	4.75	8	8
1362	14	3	84	AFM220xg3	D3S1561	p22.1	91	AFMa190yf5	D3S3572	p21.32	62.3	1.6	5.28	8	8
1413	1	16	54	AFM088xc1	D16S3122	p13.3	63	AFMa305xb1	D16S3062	p13.2	23.9	6.3	5.38	9	9
1416	1	10	305	UT7742	D10S1173	q23.31	319	AFMb055zb9	D10S1710	q23.33	120.8	6.9	5.09	11	11
1416	2	4	192	AFMc017zf1	D4S3003	q13.1	201	AFMa240zb9	D4S2932	q13.2	88.7	3.2	4.77	10	10
1416	3	5	331	AFMa102wc5	D5S2115	q31.1	346	AFM196xc7	D5S479	q31.1	140.0	2.6	5.57	9	9
1416	5	5	331	AFMa102wc5	D5S2115	q31.1	346	AFM196xc7	D5S479	q31.1	140.0	2.6	5.57	9	9
1416	14	1	351	AFM361td9	D1S502	p13.3	420	AFM344va9	D1S2844	q24.2	160.8	28.5	31.74	55	55
1416	14	3	67	AFM312yf5	D3S2335	p24.3	74	AFMa176wc1	D3S3567	p23	53.8	5.8	4.73	8	8
1416	14	6	413	GATA186B06	Unknown	q24.3	447	GATA81B01	D6S1277	q26	163.7	19.2	16.94	26	26
1416	14	18	61	MS156	D18S36	q12.3	135	AFMa054yg5	D18S1152	q21.2	69.4	22.0	45.68	71	71